

DEUTSCHES PATENTAMT

- 21 Aktenzeichen:
- P 44 11 594.6-41
- Anmeldetag:
- 30. 3.94
- Offenlegungstag:
 - Veröffentlichungstag der Patenterteilung: 14, 12, 95

This document has been supplied by Phone: 860-872-9331

860-875-1749

C 44 11 594 DE

Innerhalb von 3 Monaten nach Veröffentlichung der Erteilung kann Einspruch erhoben werden

(3) Patentinhaber:

Deutsches RheumaForschungsZentrum, 14109 Berlin, DE

(74) Vertreter:

Patentanwälte Gulde Hengelhaupt Ziebig, 10785 Berlin

2 Erfinder:

Weissensteiner, Thomas, Dipl.-Biochem., London,

FAX:

(56) Für die Beurteilung der Patentfähigkeit in Betracht gezogene Druckschriften:

9 07 30 5T2 **DE 68** 50 23 171 US

- (See Testkit zur Bestimmung von Histokompatibilitäts-Antigenen
- Die Erfindung betrifft einen Testkit zur Bestimmung von Histokompatibilitäts-Antigenen (HLA) in DNA-Proben durch spezifische PCR-Amplifikation. Anwendungsgebiete der Erfindung sind die medizinische D agnostik, die pharmazeutische industrie und die molekularbiologische Forschung. Der erfindungsgemäße Testkit enthält Primer, die am 3'-Ende in den drei letzten Nukleotiden mit der gesuchten Allelsequenz übereinstimmen und in der übrigen Sequenz zu mindestens 80% mit der Allelsequenz homolog sind, und einen Betain-enthaltenden Puffer.

44 11 594 C DE

UE 44 11 334

Beschreibung

Die Erfindung betrifft einen Testkit zur Bestimmung von Histokompatibilitätsantigenen (HLA) in DNA-Pro-

ben durch spezifische PCR-Amplifikation.

HLA-Allele spielen eine wichtige Rolle bei der Abstoßung von Transplantaten, bei Immun- und Autoimmunreaktionen. Insbesondere HLA-B27 ist stark mit bestimmten Formen von Spondyloarthropathien assoziiert und kann helfen, diese frühzeitig von ähnlichen Krankheitsbildern zu unterscheiden.

Anwendungsgebiete der Erfindung sind die medizinische Diagnostik, die pharmazeutische Industrie und die

molekular-biologische Forschung.

Genetische Tests in einem weiten Bereich von Forschung und klinischer Routine werden zunehmend auf der Basis der Polymerase-Kettenreaktion (PCR) durchgeführt. Damit werden die Tests erheblich verbilligt und außerdem zuverlässiger gemacht. Die PCR ist 1987 entwickelt worden (Mullis, K. B. et al., Methods in Enzymology-155, 335-342,1987), mit ihr können kleine Mengen von DNA durch Behandlung von einzelnen komplementären Strängen dieser DNA mit einem molekularen Überschuß von zwei Oligonukleotidprimern und deren Verlängerung zur Bildung einer DNA-Matrize schnell und sicher vermehrt werden (EP-A-200 362, EP-A-201 184, EP-A-258 017).

Auch in US 5,023,171 ist ein Verfahren zur Herstellung von rekombinanter DNA unter Anwendung der Polymerase-Kettenreaktion (PCR) beschrieben, wobei die rekombinante Doppelstrang-DNA mittels PCR in

Gegenwart von oligo-a und oligo-d amplifiziert wird (SOE; gene splicing by overlap extension).

Mit Hilfe der PCR werden bereits HLA-Klassell Allele routinemäßig untersucht (Olerup et al., Tissue

Antigens 39, 225-235, 1992).

Adrian V. S Hill et al (The Lancet, Vol. 337, March 16, 640-642, 1991) benutzten eine HLA-B spezifische PCR und Hybridisierung mit einem B*2703 spezifischen Oligonukleotid und fanden Hinweise, daß dieser für Westafrika (Gambia) charakteristische Subtyp als einziger wahrscheinlich nicht mit Bechterevs Syndrom assoziert ist. HLA-B spezifische PCR und anschließende Hybridisierung mit Oligonukleotiden Spezifisch für die Subtypen B*2701 bis B*2706 wurde auch von O. Dominguez et al., Immunogenetics 36, 277 - 282, 1992) beschrieben.

Die Ähnlichkeit zwischen den HLA-Antigenen von Organspendern und -empfängern ist von entscheidender Bedeutung für den Erfolg von Organtransplantationen. Darüberhinaus sind einige Allele dieser Gene mit

Resistenz oder Anfälligkeit für bestimmte Krankheiten assoziiert.

B27 weist unter den HLA-Genen eine der stärksten positiven Assoziationen mit zwei überlappenden klinischen Krankheitsbildern auf, Akute Anteriore Uveitis (Baarsma, G. S., 1992, Current Eye Research, 11 supl, 1-9)

und Spondyloarthropathien (MacLean, L. 1992, Ann. Rheum. Dis. 51, 929-931).

Letztere sind ebenfalls, jedoch schwächer, mit den Antigenen B7, Bw22, B60 (Stein, M. et al., 1990, J. Rheum. 17, 1337-1339) und eventuell auch B44 (Thomson, G. T. D. et al., 1992, Clin. Immunology, 64, 227-232) und B62 assoziiert. Das B27-assoziierte Risiko für Bechterevs Syndrom erhöht sich ca. dreifach, wenn B60 (B*4001) auf dem anderen HLA-Haplotyp vorhanden ist (Robinson, W. P., 1989, Arthritis and Rheumatism, 31, 1135-1140).

Von den anderen B27-assoziierten Krankheitsbildern sind Subformen vorzugsweise mit anderen HLA-Antigen assoziiert. B13, B16 und B17 (B57 und B58) können helfen, "rheumatische" Psoriatische Arthritis von "spondylitischer" (B27) zu unterscheiden (Salvarani, C. et al., 1989, J. Exp. Rheum., 7, 391 – 396; Torre-Alonso, J. C. et al., 1991, Brit. J. Rheumatol., 30, 245-250). Eine ähnliche Differenzierung mit Hilfe von B62 ist wahrscheinlich

beim Morbus Crohn möglich.

B60- und B15-DR4 Haplotypen könnten ebenfalls helfen, Subformen von rheumatischen Erkrankungen zu unterscheiden (Sanders, P. A. et al., 1988, Tiss. Ant., 33, 21-29; Charles, P. J. et al., 1991, Disease Markers, 9. 97-101; Brand, C. A. et al., 1992, Ann. Rheum. Dis., 51, 173-176). Der Haplotyp B44-C4A*3C4BQ*O-DR4 kommt vermehrt unter Patienten mit Feltys Syndrom in Rheumatoider Arthritis vor (Hammond, A. et al., 1992, Clin. Exp. Imm., 88, 163-168).

B60 sowie der Haplotyp B14-DR1 sind außerdem mit milderen Formen von 21-Hydroxylasemangel in der nordeuropäischen Bevölkerung assoziiert (Speiser, P. W. et al., 1988, N. Engl. J. Med., 319, 19-23; Sinnott, P. J. et

al, 1991, Hum. Genet, 87, 361 - 366; Azziz, R. et al, 1991, J. Clin. Endocrinol Metab., 73, 1327).

Obwohl in den letzten Jahren verschiedene Varianten der PCR-Reaktion entwickelt worden sind, kann ein sicheres Gelingen dieser Reaktion im allgemeinen nicht vorhergesagt werden. Von wesentlicher Bedeutung ist die Auswahl der zum Aufbau der Matrize geeigneten Primer. Aber selbst wenn die gewünschte Sequenz bekannt und der zur Hybridisierung geeignete Primer ausgewählt ist, ist eine erfolgreiche Amplifizierung noch nicht garantiert. Zahlreiche Beispiele zeigen, daß ein nach Kenntnis der gewünschten Sequenz ausgewählter Primer nicht zur erwarteten Amplifikation geführt hat.

Die Erfindung hat das Ziel, einen Testkit zur Bestimmung von Histokompatibilitäts-Antigenen auf der Basis der PCR-Reaktion zu entwickeln. Ihr liegt die Aufgabe zugrunde, dazu geeignete Primer aufzubauen und die

Reaktionsbedingungen so zu gestalten, daß eine sichere Amplifikation gewährleistet ist.

Die Erfindung wird gemäß Anspruch 1 realisiert, die Unteransprüche sind Vorzugsvarianten. Wesentliches Merkmal sind die im Testkit verwendeten Primer, die am 3'-Ende in den drei letzten Nukleotiden mit der gesuchten Allelsequenz übereinstimmen und in der übrigen Sequenz zu mindestens 80% mit der gesuchten Sequenz homolog sind, und der erfindungsgemäße Betain-Puffer. Es wurde gefunden, daß Basenmißpaarungen am 3'-Ende des Primers nach der Verlängerung durch Taq-Polymerase störend sind und dabei besonders das letzte Basenpaar entscheidend ist

Mißpaarungen am vierten und den weiteren Basenpaaren vom 3'-Ende entfernt behindern die DNA-Polyme-

rasereaktion praktisch nicht mehr.

Die erfindungsgemäßen Testkits enthalten die jeweils spezifischen Primer für einzelne HLA-Antigene gemäß den Ansprüchen 3-19.

Nachstehend wird eine Übersicht über die mit den erfindungsgemäßen Testkits bestimmbaren HLA-B-Allele und die im Testkit enthaltenen erfindungsgemäßen 3'- und 5'-Primer gegeben. Die erfindungsgemäßen Testkits können auch je einen der nachfolgend genannten 3'- und 5'-Primer in anderer als der beschriebenen Kombination enthalten. Daneben sind gleichzeitige Amplifikationen verschiedener Allele und Allelgruppen möglich, wenn mehrere der nachfolgend beschriebenen 3'- und 5'-Primer in derselben Reaktion verwendet werden ("Multiplex-PCR"). Entsprechend können die erfindungsgemäßen Testkits in einer besonderen Ausführungsform auch mehrere 3'- und 5'-Primer beinhalten.

	ĺ		ૃ			
5	•	B0760R	1446-1465 1490-1506			
10	01	B0740R	1446-1465			
15	Aufloesun					
20	geringer Aufloesung					
25						
30	Gruppe					
35	ruppen der B7-kreuzreaktiven Gruppe mit	32b				
40	B7-kreu	B7CREG2b	892-918		615	
45	pen der			_		
50	Allelgrur	B7CREG3	721 - 743	Groesse (bp)		745
55	von					لثا
60	Charakterisierung von Allelg				B*40011	D*4001-4,6
65	1. Chara	Primer	Position	Produkte	B42 B7	B73 B27

1/2. B*0703. B42. B*40011.	
-kreuzreaktiven Gruppe : B*070	
n Allelen und Allelgruppen B7	
11. Bestimmung von	B*40012

Primer			B7CREG3 B7CREG1a B7CREG2h B7CREG2a 721 - 743 836 - 852 892-918 904-926	B0740R B0760R
Produkte			Groesse (bp)	
B41 B*4001 Reamplifikation von		B*40011	786 und B*40012 zur Unterscheidung von B41 :	
Reamplifikation von B*4001		D+40011	zur Unterscheidung von B41 und B*40012 :	
D*40011	b)		574	
B42 B48	B7	D8	[67]	
B73 B48	D7	B27	[630	
B+40011	B*0701-2	.2	562	
B7 B27 B48 B•4001:	Amplifikation Amplifikation Amplifikation Amplifikation	ion affer ion affer on von E	aller bekannten Subtypen B*0701-*0703 von B*4801, nicht B*4802 von B*40011 und B*40012	

																_				, ,	
5	B076018		I A	(F31(n)	B (Z	2		ia (mis3)	(mic 3)	19 (JA	1.4		A.	Ϋ́	Z	7	Z		
10	B0740R		4.1	۲.	<u>z</u>	I A		۸-	Z		2	JA	14	2	JA	~	1 A (n 40) S		JA		•
15																					
20								•													
25																					
30						1			-							-	1				
35		B7CREG26 B7CREG2a		JA	Z	2	z	2	<u> </u>	Z	1.4	\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\	z	Z	\ <u>\</u>	\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\	z	Z	2	21	
40		B7CREG2b		1A	- 4	2,	z	-7	2	z	4.1	7.4	z	2		JA	Z	2	,	2	
45		B7CREG1a		IA		JA	1 A		JA	z		JA	_<		¥.	z	Z	1	2	JA	
50		B7CNEG3		2	2	z	V	0.	JA	I A		Z.	2	7.	1.		1 A		18	JA	
5 5				T																	
60			i	cziliscu iuci				9.								(טעט)	0,00	(non)	n40 (nicht-B60)		
65			I'r Ber	HLA-spezilisen	n.)	00	òa	B*2701-6	D+2707	2770	1341	n47	77.0	D • 4801	B*4802	0907 1100740		B*40012 (BOO)	140 Chl	573	C/a

Ausbeuten wenn B0760R in Kombination mit einem volistaendig komplementaeren Nur geringfuegig reduzierte Ausbeuten wenn B0760R in Kombination mit einem vollstaene S'-Primer verwendet wird S'-Primer verwendet wird Keine Sequenzdaten fuer B*4802 und B*40011 im Bereich von B7CREG3 verfuegbar Keine Sequenzdaten fuer B*4802 und B*40011 im Bereich von B7CREG3 verfuegbar Der Subtyp *4005 gehoert nicht der B7-kreuzreaktiven Gruppe an und wird mit B0740R nicht Ja (mis3)

n.40.5

amplifiziert

-B18, -B27, -B73 und von Allelen der scrologischen Gruppen B12, Bw22 und Bw21 -B14. Bestimmung HLA-B13.

D7CREG3 B7CREG1a B1344L B218 B2158R B1322R B4445R B1418R 721 - 743 836 - 852 904-926 938- 957 1250-1269 1274-1289 1306-1327 1459-1478 1470-1490	Groesse (bp)	549	332	390	424	569	109	758	769
Primer	Produkte	B+2701-+2706 B+2701-+2706	B•2701.•2706, nicht B•2702	.n. 13	BS4 BS5 DS6	B45 B49 B50	B45 B49 B50	B45 B44	B18 B73

Amplisikation after bekannten Subtypen ausser im Falle von B27 (B+2707 : nicht amplisiziert)
Die Primerkombination B7CREG3/B1322R zeigt geringe, jedoch nicht stoerende Kreuzreaktivitaet mit HLA-75, B37 und B73

5

	_	T	_	r	γ			1	Τ	_		-	,	_	Γ.	_	_	τ -	1
5	B1418R		z		z	JA	z	z	Z	z	Z	z	z	z	z	z	z	٦	z
10	B4445R		z	Z	z	Z	z	z	Z	z	z	z	z	γſ	JA	z	z	z	z
15	B1322R		JA	ja(mis2)	ja(mis2)	Z	JA	JA	JA	z	z	z	ja(mis2)	z	٦A	z	z	ja(mis2)	ja(mis2)
20	B2158R		Z	z	z	Z	JA	Z	z	z	z	z	Z	Z	JA	Z	JA	,	z
25																			
30	B27R		Z	Z	Z	z	Z	z	Z	JA	z	Z	Z	Z	z	Z	z	Z	z
35	B1344L		JA	Z	Z	Z	Z	z	z	ja(mis3)	z	ja(mis3)	ia(mis3)	JA	Z	Z	z	Z	Z
40	B7CREG2				Z												Z	Z	Z
45	B7CREG1a												Z						Z
50	B7CREG3		Z	Z	Z	JA	JA	Z	Z	JA	JA	JA	JA	z	JA	z	7	JA	JA
55		ı								5 ,									
60		zifisch fuer			(B16)		(Bw21)	(Bw22)	(Bw22)	*2703-*2706				(B12)	(B12)				
65	Primer	HLA-spezifisch	B13	B14	B38; B39 (B16)	B18	B49; B50 (Bw21)	D54	B55; B56 (Bw22)	B+2701,	B*2702	B+2707	B37	B44 (B45 (B+4801	B+4802	B73	HLA-75

Nachweishare PCR-Produkte wenn B22R zusammen mit einem vollstaendig komplementaeren 5'-Primer verwendet wird, jedoch mit hoechstens 1/10 der Ausbeute gegenueber Allelen ohne Misspaarung Keine Sequenzdaten fuer B*4802 im Bereich von B7CREG3 verfuegbar ja(mis2)

DE 44 11 594 C.

2. Bestimmung von B13, B57 und Allelen der serologischen Gruppe B15

0 - 1 - 0	BISCREG	B57R B62R	B1322R
Position	838 -855	1269	1306-1327
Produkte	Groesse (bp)		
B57	432		
B*1501, B*1505, B*1507, B*1517	424		
B13	490		

Drimer	BISCREG	B5718	B62R	B1322R
UI A enertition firer				
A13	JA	z	z	١٨ .
n+1501 (B62)	١٨	 z	JA	Z
] .	JA	z	JA	z
	JA	JA	z	Z

Amplifikation after bekannten Subtypen

B57

20 20 4 171 20 40 4 171	50	45	40	35	30	2 5 .	20	15	10	5	
HLA-B Climer Primer	Sequenz					Position	on	- 1	Referen	C	(70/0/)
B7CREG1a B7CREG1b	S' GCC GCG AGT CCG AGA GA 3' S' CGC CGC GAG TCC GAG AG 3'	AGT CCG	AGA GA 3 GAG AG 3'			836 -	852 851	Genoank	X0394		(+ <) 7
B7CREG2a B7CREG2b	5' GAA CAC ACA GAT CTA CAA GGC CC 3' 904 - 5' GTA TTG GGA CCG TAA CAC ACA GAT CTA 3' 892	S ACA GAT 3 GGA CC(CTA CAA G TAA CA	GGC CC 3 C ACA GA	T CTA	904 - 3' 892 -	926 918				
B7CREG3	5' CTC CCA CTC CAT GAG GTA TTT CC 3'	CTC CAT	GAG GTA	TTT CC 3'		721 -	743				
B4445R	5' CAC CAG GTA TCT GCG GAG CG 3'	GTA TCT	GCG GAG	CG 3.	÷	1459 -	1468				
÷ B1418R	S' CTC CTT CCC GTA CTC CAG GTG 3'	CCC GTA (CTC CAG	3TG 3'	-	1470 -	1490				
B2158R	S' GAG GAG GCG CCC GTC G 3'	၁၁၁ ၅၁၅ (GTC G3'		=	1274 -	1289				
B1322R	5' TGT AAT CCT TTC CGT CGT AGG CTA 3'	· ccr mc	CGT CGT	AGG CTA		1306 -	1327				
B27R	S' CCA CGT CGC AGC CAT ACA TA 3'	CGC AGC	CAT ACA	TA 3'		1250 -	1269				•
B1344L	S' GAC CGA GAG AAC CTG CGC AC 3'	GAG AAC	cracac	AC 3'		938 -	957				٠
B0760R	S' CC GCG CGC TCC AGC TTG 3'	SGCTCCA	GC TTG 3'			1490 -	1506				
B0740R	5' CGT AGC CAC TCC ACG CAC TC 3'	CACTCC	ACG CAC	TC 3'	-	1446 -	1465			·	
B15CREG1	5' CGC GAG TCC GAG GAT GGC 3'	3 TCC GAG	GAT GGC	3,		838 -	855				
B62R	S' CCC CAC GTC GCA GCC G 3'	GTCGCA	GCC G 3'		~	1256 -	1271				
B57R	5' CCA CGT CGC ATC CAT ACA TCA C 3'	r CGC ATC	CAT ACA	TCA C3'	grand	1248 -	1269				

	(2/94))	•	
Referenz	Release 81.0	X71937 M16441	10
-	(Genbank		20
	Position	9587 - 9608 9579 - 10600 870 - 890	25
		9587 876	30
		ATT C 3' TCC A 3' TG 3'	35
		AGA GCG ACT TCC ATT C TGC AGG GGG TAG TCC A TCG TGC TTT GGA CTA 3' TGG GGA CAT GTC TG 3'	4 0
Primer fuer interne Kontrollen	Sequenz	S' AAC TGC AGA GCG ACT TCC ATT C3' S' AGG TCA TGC AGG GGG TAG TCC A3' S' CGT GCT TCG TGC TTT GGA CTA 3' S' AGC TGG TGG GGA CAT GTC TG 3'	50 55
ner interne	Š	, , , , , , , ,	60
Primer f	Primer	xablus ashalten:	65

Als Primer für die internen Kontrollen sind in den erfindungsgemäßen Testkits enthalten:

DE 44 II 334 CI

xabl 5' AAC TGC AGA GCG ACT TCC ATT C 3'
Position 9587 - 9608

5

xabr 5' AGG TCA TGC AGG GGG TAG TCC A 3' Position 10579 - 10600

10

tnfbl 5' CGT GCT TCG TGC TTT GGA CTA 3'

Position 870 - 890

15

tnfbr 5' AGC TGG TGG GGA CAT GTC TG 3'
Position 1588 - 1607

20

Die erfindungsgemäßen Testkits können die in der PCR bekannten und üblichen Puffer enthalten. In einer bevorzugten Ausführungsform enthalten sie jedoch einen Betain (N,N,N-Trimethylglycin)-Puffer für die PCR-Amplifikation.

Der Puffer kann 200-1000 mM Betain enthalten. Er besteht in einer bevorzugten Variante aus 500-800 mM Betain und 1-6 mM Magnesiumchlorid. In einer weiteren bevorzugten Variante besteht er aus 500-800 mM Betain, 1-6 mM Magnesiumchlorid, 6-14 mM N-Tris(hydroxymethyl)methylglycin mit pH 8,3 und

80 – 120 µg/ml Rinder-Serumalbumin V.

Die Auswahl des erfindungsgemäßen Puffers basiert zum einen auf dem Befund, daß bereits geringe Salzkonzentrationen im PCR-Medium die Amplifikation bestimmter HLA-B-Allele negativ beeinflussen können. Der Puffer enthält deshalb im Gegensatz zu den üblichen Puffern kein Kalium- oder Ammoniumchlorid.

Betain kombiniert zudem eine Reihe von Vorteilen herkömmlicher, bisher in der PCR und reversen Transkrip-

tion (RT) verwendeten Kosolventien:

Es ist chemisch inert und nicht-ionisch, d. h. es kann mit einer Anzahl anderer Kosolvenzien und Salzen kombiniert werden, um optimale Reaktionsbedingungen für die jeweiligen Primer und Template zu schaffen.

Daneben erleichtert es die Transkription GC-reicher Domänen. Da nur GC-Basenpaare destabilisiert werden, können Primer so gewählt werden, daß ihre Hybridisierung mit der Zielsequenz möglichst wenig beeinträchtigt wird.

Allgemeine Destabilisierung von dsDNA, z. B. durch Glycerin, Dimethylsulfoxid oder Formamid, setzt auch die Hybridisierungstemperatur der Primer herab und hat damit sowohl positive wie negative Auswirkungen auf die Ausbeute von DNA-Polymerase-Reaktionen. Betain ist unter den nicht-ionischen Kosolvenzien einzigartig in seiner Eigenschaft, AT-Basenpaare zu binden und dadurch zu stabilisieren. Da nicht-ionische Kosolvenzien allgemein dsDNA destabilisieren, erfolgt in Anwesenheit von Betain insgesamt eine spezifische Destabilisierung GC-reicher Domänen in DNA und RNA. Betain ist jedoch erheblich billiger als Deoxyguanidin-Analoge wie sie zu diesem Zweck in Sequenzierung und PCR erfolgreich eingesetzt wurden und kann außerdem auch in der RT verwendet werden. AT-reiche Primer wie z. B. (dT)₁₂₋₁₈ in der RT werden jedoch weniger beeinflußt als GC-reiche Domänen im Templat.

Magnesiumchlorid ist ein essentieller Kofaktor für DNA-Polymerasen, jedoch hängt die optimale Konzentration in der PCR stark von den jeweiligen Primern oder Templaten ab. In Gegenwart von Betain erweitert sich dieser optimale Bereich, wodurch sich die Optimierung, insbesondere von Koamplifikationen ("Multiplex-PCR"),

vereinfacht.

Desweiteren ist bekannt, daß sowohl NaCl als auch Heparin als Verunreinigungen in DNA-Proben auftreten können. So hat Heparin in Konzentrationen zwischen 2,5·10⁻⁴ – 10⁻³ U/µl ähnliche Effekte wie NaCl. Im Stand der Technik wurde deshalb Heparinate-Verdau oder Vorbehandlung Heparinenthaltender DNA mit Chelex 100 vorgeschlagen (Francesca Poli, Rosa Catteano, Loretta Crespiatico, Angelea Nocco und Girolamo Sirchia, PCR Methods and Applications, 1993, 2, 356 – 358).

Es wurde nun gefunden, daß die PCR-Ausbeuten, insbesondere von HLA-B, bei Heparin-enthaltenden DNA-Proben in Gegenwart von Betain deutlich verbessert werden können. Vorzugsweise zeigen sich diese Befunde bei Betainkonzentrationen von 500-800 mM. In Gegenwart von 0,8 M Betain werden bis zu 10fach höhere

Heparinkonzentrationen toleriert.

Betain macht also die Aufreinigung von Salz- oder Heparinenthaltenden DNA-Proben weitgehend überflüssig, was vor allem in der routinemäßigen Untersuchung klinischer und forensischer Proben von Vorteil ist.

Daneben ist Betain im Gegensatz zu den Kosolvenzien DMSO, Formamid und Methyl-Quecksilberhydroxid ungiftig und ein natürlicher Schutz, den Zellen im Laufe der Evolution gegen thermische und ionische Denaturierung ihrer Proteine entwickelt haben.

Die Aktivität der Taq-Polymerase und der reversen Transkriptase wird durch Betain nicht merklich beeinträchtigt.

Als temperaturstabile DNA-Polymerase wird erfindungsgemäß bevorzugt Taq-Polymerase eingesetzt. Die Vorteile des erfindungsgemäßen Testkits gegenüber dem Stand der Technik liegen in den folgenden

a) Der Betainpuffer macht die Reaktion robuster gegenüber verschiedenen Methoden der DNA-Präparation und NaCl-Verunreinigungen, wie bereits ausgeführt. b) Die erfindungsgemäß eingesetzten Primer sind für maximale Spezifität und Robustheit ausgewählt. wobei folgende Punkte von Bedeutung sind - Erkennung möglichst weniger HLA-Allele, - soweit möglich Vermeidung von 3'-Desoxy-Thymidin in Primern oder in der komplementären Position auf allen bekannten Allelen der HLA-Klasse I, - Kontrolle der letzten 10 Nukleotide auf häufige Sequenzmotive im menschlichen Genom (Vergleich mit einer Datenbank menschlicher Sequenzen: Genbank Release 81.0, 2/94) wie z. B. konservierte Strukturen der Immunglobulinfamilie, um die Gefahr von PCR-Artefakten zu verringern. c) Die Zahl der zur B27-Amplifikation benötigten PCR-Cyclen ist geringer als im Stand der Technik. d) Der erfindungsgemäße Kit kann flexibel gestaltet werden, um einige oder mehrere der mit Spondyloarthropathien assoziierten B7-kreuzreaktiven Antigene B60 (B40), B27, Bw22 und B7 sowie die möglicherweise assoziierten Allele B44 und B62 (B15) oder das mit Psoriatischer Arthritis assoziierte Allel B13 zu bestimmen e) Die internen Kontrollen (Gene XA/XB) beinhalten einen gut dokumentierten Marker für einen HLA-Klasselll Locus, durch den in manchen Fällen der mit dem HLA-B-Allel assoziierte MHC-Haplotyp eingeschätzt werden kann. f) Die internen Kontrollen wurden sorgfältig ausgewählt (Gene XA/XB oder TNFB) und getestet, um sicherzustellen, daß das HLA-B Produkt unter allen Bedingungen gleich gut oder besser ampliziert wird. g) Die amplifizierten HLA-B Produkte variieren in ihrer Länge von ca. 400-800 Nukleotiden, so daß die Möglichkeit besteht, mehrere HLA-Bestimmungen im selben Reaktionsvolumen durchzuführen, um so Kosten und Arbeitsaufwand zu sparen. 25 Zusammenfassend kann festgestellt werden, daß der erfindungsgemäße Testkit zu einem wesentlichen Fortschritt in der Diagnose von Spondyloarthritien und ähnlichen Erkrankungen führt. Gegenstand der Erfindung ist auch die Verwendung von HLA-Allel-spezifischen Oligodesoxynukleotid-Primern, die am 3'-Ende in den drei letzten Nukleotiden mit der gesuchten Allelsequenz übereinstimmen und in der übrigen Sequenz zu mindestens 80% mit der Allelsequenz homolog sind, und einem Betain-enthaltenden Puffer zur Bestimmung von Histokompatibilitäts-Antigenen in DNA-Proben durch spezifische PCR-Amplifikation und insbesondere zur Amplifikation eines Fragmentes des HLA-B-Gens enthaltend Sequenzen von Exon 2 bis Exon Die Erfindung soll nachfolgend durch Ausführungsbeispiele näher erläutert werden. 35 Ausführungsbeispiele a) Reaktionsansatz DNA wird durch Verdauung von zu untersuchenden Proben mit Proteinase K und nachfolgende Phenol/Chlo-45

Die Amplifikationen werden in DNA-Thermocyclern (z. B. dem DNA-Thermocycler 480 der Firma Perkin-Elmer-Cetus) in 500 µl "Eppendorf"-Reaktionsgefäßen durchgeführt.

roform-Extraktion gewonnen. Zur Reaktion werden Mengen von 50 – 1000 ng in einem 20 µl Reaktionsvolumen eingesetzt

50

55

60

65

Der Ansatz enthält außerdem:

10 mM N-Tris(hydroxymethyl)methylglycin, pH 8,3 bei 20°C (Tricin) 100 µg/ml Rinder-Serumalbumin (BSA V) 0.2 mM je Nukleotidtriphosphat (dATP, dCTP, dGTP, dTTP) 3 ng/µl je Primer 0,025 U/µl Taq-Polymerase

mit TNFB als Kontrolle: 600 mM N,N,N-Trimethylglycin (Betain) 3 mM Magnesiumchlorid mit Genen XA/XB als Kontrolle: 800 mM N,N,N-Trimethylglycin (Betain) 4 mM Magnesiumchlorid

b) Temperaturschritte

Die PCR-Programme werden in folgenden Temperaturschritten durchgeführt:

DE 44 11 594 C1

4: 94 °C Vordenaturierung

	B27-PCR		allgemein (ein	schl.B27)
10	40 Cyclen a'	1' 94 °C 1' 60 °C 1' 72 °C	5 Cyclen a'	1' 94 °C 1' 68 °C 1' 72 °C
15	-		5 Cyclen a'	1' 94 °C 1' 64 °C 1' 72 °C
20			30 Cyclen a'	1' 94 °C 1' 60 °C 1' 72 °C

9: 72 °C Primer-Verlängerung

Erfindungsgemäß erweisen sich in Gegenwart von Betain Hybridisierungstemperaturen, die ca. 10°C niedriger liegen als die theoretische Denaturierungstemperatur der Primer, und MgCl₂-Konzentrationen zwischen 3 und 4 mM als vorteilhaft.

c) Detektion

Erfolgreiche Amplifikation der internen Kontrolle und gegebenenfalls eines allelspezifischen HLA-B-Fragments wird durch Elektrophorese in einem 1,5% igen Agarosegel, 0,5 × TBE-Puffer geprüft. DNA-Banden werden durch Anfärbung mit Ethidiumbromid und Fluoreszenz unter einer UV-Lampe sichtbar gemacht. Die Länge der erhaltenen PCR-Produkte ist eine Kontrolle für die Spezifität der PCR für HLA-B.

d) Ergebnisse

- HLA-B27, B7, B8, B41, B42, B60, B61 und B73 wurden unter obigen Bedingungen erfolgreich amplifiziert. Die Spezifität der HLA-B PCR wurde mit Hilfe der folgenden Standard-Zellinien getestet:

 Positive Kontrollen waren
 - a) für B27 und seine Subtypen: HOM2, JESTHOM, WT24, LS40 sowie die nicht-standartisierten Linien LH, NW, R69 und Wewak,
 - b) für B60 (B*40012): SLE, MADURA, MT14B, PE117, BRU, RLO, LS40 (B27/B60)
 - c) für B7: HHKB, SAVC, LD2B, R69 (B7/B27)
 - d) für B8: VAVY, LH (B8/B27)
 - e) für B42: RSH

25

30

45

50

- f) für B41: RLO (B38/B41)
- g) für B61 (B*4002): SWEIG.

Als Negativkontrolle dienten außerdem zahlreiche weitere, für die häufigsten HLA-B-Allele repräsentative, Standardlinien oder Linien, deren Allelsequenz zu einem der beiden verwendeten Primern vollständig komplementär war (z. B. B14 und B16 mit B7CREG1 in der B27-PCR).

Von 51 sowohl serologisch als auch mit Hilfe der PCR auf HLA-B27 untersuchten Spendern wurde in 43 Fällen positive Übereinstimmung zwischen beiden Tests und in 6 Fällen negative Übereinstimmung gefunden. Eine Probe eines Patienten mit Bechterev war serologisch B27-negativ und positiv anhand des PCR-Ergebnisses. Einmal wurde kein PCR-Produkt von einem serologisch positiven gesunden Spender erhalten. Die Spezifität der PCR-Produkte wurde weiterhin durch Gelelektrophorese (Größe) und in den Amplifikationsprodukten von 22 verschiedenen vollständig HLA-B typisierten B27-heterozygoten Proben durch Verdau mit Restriktionsenzymen bestätigt.

Unspezifische (Co-)Amplifikationen wurden unter den obigen Bedingungen nicht beobachtet.

Um den Einstuß von Tetramethylammoniumchlorid, Betain und NaCl auf die Amplisikation von B7, B8 und
B27 zu untersuchen wurden vier Puffer enthaltend 50 mM KCl und 1,5 mM MgCl₂ getestet: zwei handelsübliche
(Boehringer Mannheim, Promega) mit Tris sowie zwei eigene mit Tris oder Tricine.

Es zeigte sich, daß 50 mM KCl sowie geringe Verunreinigungen mit 5-10 mM NaCl (final) die PCR der HLA-B-Allele der internen Kontrollen erst bei 70 mM NaCl-Konzentrationen behindern. Verbesserte Amplifi-

DE 44 11 594 CI

kation wird jedoch in Gegenwart von 50 mM TMAC1 erzielt und optimale PCR von HLA-B7, B8 und B27 bei 0,6-1,0 M Betain- und 2,5-4 mM MgCl₂-Konzentrationen. Oberhalb dieser Grenzen wirkt Betain inhibierend auf eine PCR mit den oben genannten Primern. Während die Amplifikation der internen Kontrollen in Abwesenheit isostabilisierender Substanzen robuster als die HLA-B PCR ist, kehrt sich dieses Verhältnis in Gegenwart von Betain und TMAC1 um.

Referenzen für Angaben zur genomischen Position der Primer

Accession-Nummern beziehen sich auf Genbank Release 81.0 (2/94). Die Positionen der HLA-B Primer wurden so angegeben wie sie auf der Sequenz X03945 des Allels HLA-B*2705 liegen würden, ungeachtet von evtl. 3'-Mißpaarungen. Die Länge der PCR-Produkte für die verschiedenen Primerkombinationen wurden ebenfalls so angegeben als ob ein Fragment der Sequenz X03945 amplifiziert würde.

a) HLA-B primer: Accession X03945

Authors: Weiss, E. H., Kuon, W., Doerner, C., Lang, M. and Riethmüller, G.

Title: Organization, sequence and expression of the HLA-B27 gene:

A molecular approach to analyze HLA and disease associations

Journal: Immunobiology 170, 367 - 380 (1985)

b) XA/XB Primer: Accession X71937

Authors: Bristow, J., Tee, M. K., Gintelman, S. E., Mellon, S. H. and Miller, W. L.

Title: Tenascin-X: a novel extracellular matrix protein encoded by the human XB gene overlapping P450c21B

15

20

30

35

40

55

60

65

Journal: J. Cell Biol. 122, 265-278 (1993)

c) TNFB-Primer: Accession M16441

Authors: Nedospasov S. A., Shakhov A. N., Turetskaya R. L., Mett V. A., Azizov M. M., Georgiev G. P., 25 Korobko V. G., Dobrynin V. N., Filippov S. A., Bystrov N. S., Boldyreva E. F., Chuvpilo S. A., Chumakov A. M., Shingarova L. N., Ovchinnikov Y. A.;

Title: "Tandem arrangement of genes coding for tumor necrosis factor (TNF-alpha) and lymphotoxin (TNF-beta) in the human genome";

Journal: Cold Spring Harb. Symp. Quant. Biol. 51:611-624 (1986).

d) B*40011: Accession M27540

Authors: Arnot D, Lillie J. W, Auffray C, Kappes D, Strominger J. L;

Title: "Inter-locus and intra-allelic polymorphisms of HLA class I antigen gene mRNA"; (Figure 3. The nucleotide sequences of the three clones JY103, (LB42, and LB45.)

Journal: Immunogenetics 20: 237 - 252 (1984).

e) B*40012: Accession M95530

Authors: Kawaguchi, G., Kato, N., Kashiwase, K., Karaki, S., Kohsaka, T., Akaza, T., Kano, K. and Takiguchi, M.

Title: Structural analysis of HLA-B40 epitopes Journal: Hum. Immunol. 36, 193-198 (1993)

Patentansprüche

1. Testkit zur Bestimmung von Histokompatibilitäts-Antigenen (HLA) in DNA-Proben durch spezifische PCR-Amplifikation, beinhaltend temperaturstabile DNA-Polymerase, eine DNA-Matrize, die Desoxynukleotid-5'-triphosphate dATP, dGTP, dTTP und dCTP, einen Puffer für die Polymerase-Kettenreaktion und zwei Allel-spezifische Oligodesoxynukleotid-Primer, dadurch gekennzeichnet, daß der Puffer Betain enthält und die eingesetzten Primer am 3'-Ende in den drei letzten Nukleotiden mit der gesuchten Allelsequenz übereinstimmen und in der übrigen Sequenz zu mindestens 80% mit der Allelsequenz homolog sind.

2. Testkit nach Anspruch 1 zur Bestimmung von HLA-B-Allelen.

3. Testkit nach Anspruch 1 oder 2 zur Bestimmung eines HLA-B27 Allels, dadurch gekennzeichnet, daß er einen 3'-Primer mit der Sequenz

5' CCA CGT CGC AGC CAT ACA TA 3',

spezifisch für die Allele B*2701, B*2702, B*2703, B*27051, B*27052, B*2706 und entweder einen 5'-Primer mit der Sequenz

5' GCC GCG AGT CCG AGA GA 3'.

spezifisch für die Allele und serologischen Spezifitäten B7, B8, B14, B°1509, B°1510, B16, B27, B42, BSS, B56, B73 oder einen 5'-Primer mit der Sequenz

5' CGC CGC GAG TCC GAG AG 3',

--- spezifisch für die Allele und serologischen Spezifitäten B7, B8, B14, B°1509, B°1510, B16, B27, B42, B48, B54, B55, B56, B73, B79 oder einen 5'-Primer mit der Sequenz

DE 44 11 334 CI

5' CTC CCA CTC CAT GAG GTA TIT CC 3',

spezifisch für die Allele und serologischen Spezifitäten B18, B27, B37, B40, B41, B45, B49, B50, B73 beinhaltet.

4. Testkit nach Anspruch 1 oder 2 zur Bestimmung der B27-Subtypen B*2701, B*2703, B*2704, B*2705, B*2706 und zur Unterscheidung dieser Subtypen von B*2702, dadurch gekennzeichnet, daß er einen 5'-Primer mit der Sequenz

5' GAC CGA GAG AAC CTG CGC AC 3',

spezifisch für die Allele und serologischen Spezifitäten B13, B27 (mit Ausnahme des Subtyps B*2702), B37, B44, B47 und einen 3'-Primer mit der Sequenz

5' CCA CGT CGC AGC CAT ACA TA 3'.

spezifisch für die Allele B*2701, B*2702, B*2703, B*2704, B*27051, B*27052, B*2706 beinhaltet.

5. Testkit nach Anspruch 1 oder 2 zur Bestimmung eines HLA-B44 Allels, dadurch gekennzeichnet, daß er einen 5'-Primer mit der Sequenz

5' GAC CGA GAG AAC CTG CGC AC 3',

spezifisch für die Allele und serologischen Spezifitäten B13, B27 (mit Ausnahme des Subtyps B*2702), B37, B44, B47 beinhaltet und der 3'-Primer die Sequenz

25 5' CAC CAG GTA TCT GCG GAG CG 3',

aufweist.

30

35

40

6. Testkit nach Anspruch 1 oder 2 zur Bestimmung eines HLA-B45 Allels, dadurch gekennzeichnet, daß er einen 5'-Primer mit der Sequenz

5' CTC CCA CTC CAT GAG GTA TIT CC 3',

spezifisch für die Allele und serologischen Spezifitäten B18, B27, B37, B40, B41, B45, B49, B50, B73 und einen 3'-Primer mit der Sequenz

5' CAC CAG GTA TCT GCG GAG CG 3'.

beinhaltet.

7. Testkit nach Anspruch 1 oder 2 zur Bestimmung eines HLA-B7 Allels, dadurch gekennzeichnet, daß er einen 5'-Primer mit der Sequenz

5' GTA TTG GGA CCG TAA CAC ACA GAT CTA 3',

spezifisch für die Allele und serologischen Spezifitäten B7, B*40011, B42, B54, B55, B56 und einen 3'-Primer mit der Sequenz

5' CGT AGC CAC TCC ACG CAC TC 3'.

spezifisch für die Allele und serologischen Spezifitäten B7, B13, B27, B40, B47, B*4801, B73 beinhaltet.

8. Testkit nach Anspruch 1 oder 2 zur Bestimmung der B7-Subtypen B*0701, B*0702 und zur Unterscheidung dieser Subtypen von B*0703, dadurch gekennzeichnet, daß er einen 5'-Primer mit der Sequenz

5' GTA TTG GGA CCG TAA CAC ACA GAT CTA 3',

spezifisch für die Allele und serologischen Spezifitäten B*0701, B*0702, B*40011, B42, B54, B55, B56 und einen 3'-Primer mit der Sequenz

5' CGT AGC CAC TCC ACG CAC TC 3',

spezifisch für die Allele und serologischen Spezifitäten B7, B13, B27, B40, B47, B*4801, B73 beinhaltet.

9. Testkit nach Anspruch 1 oder 2 zur Bestimmung eines HLA-Bw22 Allels, dadurch gekennzeichnet, daß er einen 5'-Primer mit der Sequenz

5' GAA CAC ACA GAT CTA CAA GGC CC3',

spezifisch für die Allele und serologischen Spezifitäten B*0701, B*0702, B42, B54, B55, B56 und einen 3'-Primer mit der Sequenz

DE 44 11 594 C1	
5' TGT AAT CCT TTC CGT CGT AGG CTA 3',	
spezifisch für die Allele und serologischen Spezifitäten B13, B45, B49, B50, B54, B55, B56 beinhaltet. 10. Testkit nach Anspruch 1 oder 2 zur Bestimmung eines HLA-B13 Allels, dadurch gekennzeichnet, daß er einen 3'-Primer mit der Sequenz	5
5' TGT AAT CCT TTC CGT CGT AGG CTA 3',	
spezifisch für die Allele und serologischen Spezifitäten B13, B45, B49, B50, B54, B55, B56 und entweder einen 5'-Primer mit der Sequenz	10
5' GAC CGA GAG AAC CTG CGC AC 3',	
spezifisch für die Allele und serologischen Spezifitäten B13, B27 (mit Ausnahme des Subtyps B*2702), B37, -B44, B47 oder einen 5'-Primer mit der Sequenz	15
5' CGC GAG TCC GAG GAT GGC 3',	
spezifisch für die Allele und serologischen Spezifitäten B*1501, B*1502, B*1504, B*1505, B*1506, B*1507, B*1516, B*1517, B13, B46 und B57 beinhaltet. 11. Testkit nach Anspruch 1 oder 2 zur Bestimmung der HLA-Allele B14, B18 oder B73, dadurch gekennzeichnet, daß er einen 3'-Primer mit der Sequenz	20
5' CTC CTT CCC GTA CTC CAG GTG 3',	25
spezifisch für die Allele und serologischen Spezifitäten B14, B18, B*5101, B*5103, B*5104, B52 und B73 sowie zur Amplifikation von B14 und B73 einen 5'-Primer mit der Sequenz	
5' GCC GCG AGT CCG AGA GA 3',	30
spezifisch für die Allele und serologischen Spezifitäten B7, B8, B14, B*1509, B*1510, B16, B27, B42, B48, B54, B55, B56, B73 oder einen 5'-Primer mit der Sequenz	
5' CGC CGC GAG TCC GAG AG 3',	35
spezifisch für die Allele und serologischen Spezifitäten B7, B8, B14, B*1509, B*1510, B16, B27, B42, B48, B54, B55, B56, B73, B79 beinhaltet sowie zur Amplifikation von B18 und B73 einen 5'-Primer mit der Sequenz	
5' CTC CCA CTC CAT GAG GTA TTT CC 3',	40
spezifisch für die Allele und serologischen Spezifitäten B18, B27, B37, B40, B41, B45, B49, B50, B73 beinhal-	
tet. 12. Testkit nach Anspruch 1 oder 2 zur spezifischen Amplifikation der Allele und serologischen Spezifitäten Bw21 oder B45, dadurch gekennzeichnet, daß er einen 3'-Primer mit der Sequenz	45
5' GAG GAG GCG CCC GTC G 3',	
spezifisch für die Allele und serologischen Spezifitäten B35, B45, B*4802, B49, B50, B53 und B58 sowie einen 5'-Primer mit der Sequenz	50
5' CTC CCA CTC CAT GAG GTA TTT CC 3',	
spezifisch für die Allele und serologischen Spezifitäten B18, B27, B37, B40, B41, B45, B49, B50, B73 beinhaltet. 13. Testkit nach Anspruch 1 oder 2 zur Bestimmung des Allels B*4001 unter Verwendung B41/B*4001-spezifischer Amplifikation, dadurch gekennzeichnet, daß er einen 5'-Primer mit der Sequenz	55

5'

5' CTC CCA CTC CAT GAG GTA TTT CC 3',

spezifisch für die Allele und serologischen Spezifitäten B18, B27, B37, B40, B41, B45, B49, B50, B73 sowie 60 einen 3'-Primer mit der Sequenz

65

5' CC GCG CGC TCC AGC TTG 3',

spezifisch für B7, B8, B°40011, B°40012, B41, B42 und B°4801 beinhaltet. 14. Testkit nach Anspruch 13, dadurch gekennzeichnet, daß zur Unterscheidung von B*40011 und B41 durch Reamplifikation des mit den Primern aus Anspruch 13 erhaltenen PCR-Produktes ein 3'-Primer mit der Sequenz

5' CGT AGC CAC TCC ACG CAC TC 3',

spezifisch für die Allele und serologischen Spezifitäten B7, B13, B27, B40, B47, B*4801, B73 enthalten ist. 15. Testkit nach Anspruch 1 oder 2 zur Bestimmung der Allelgruppe B°1501, B°1505, B°1507 und B°1517, dadurch gekennzeichnet, daß er einen 5'-Primer mit der Sequenz

5' CGC GAG TCC GAG GAT GGC 3',

spezifisch für die Allele und serologischen Spezifitäten B*1501, B*1502, B*1504, B*1505, B*1506, B*1507, B°1516, B°1517, B13, B46 und B57 und einen 3'-Primer mit der Sequenz 10

5' CCC CAC GTC GCA GCC G 3',

5

spezifisch für die Allele und serologischen Spezifitäten B*1501, B*1505, B*1507, B*1509, B*1510, B*1517, B7, B8, B16 B18, B°2707, B°3505, B°4001, B°4002, B°4003, B°4005, B42, B°4401, B°4402, B°4403, B°4405, 15 16. Testkit nach Anspruch 1 oder 2 zur Bestimmung des Allels B42 unter Verwendung B7/B42-spezifischer Amplifikation, dadurch gekennzeichnet, daß er entweder einen 5'-Primer mit der Sequenz

5' GAA CAC ACA GAT CTA CAA GGC CC 3', 20

spezifisch für die Allele und serologischen Spezifitäten B°0701, B°0702, B42, B54, B55, B56 oder einen

5' GTA TTG GGA CCG TAA CAC ACA GAT CTA 3', 25

spezifisch für die Allele und serologischen Spezifitäten B7, B42, B54, B55, B56 und einen 3'-Primer mit der

5' CC GCG CGC TCC AGC TTG 3', 30

> spezifisch für die Allele und serologischen Spezifitäten B7, B8, B°40011, B°40012, B41, B42 und B°4801, beinhaltet und die Abwesenheit von B*0701/B*0702 durch das Primerpaar nach Anspruch 8 ausgeschlossen

17. Testkit nach Anspruch 1 oder 2 zur Bestimmung eines HLA-B57 Allels, dadurch gekennzeichnet, daß er 35

5' CGC GAG TCC GAG GAT GGC 3',

spezifisch für die Allele und serologischen Spezifitäten B*1501, B*1502, B*1504, B*1505, B*1506, B*1507, 40 B°1516, B°1517, B13, B46 und B57 und einen 3'-Primer mit der Sequenz

5' CCA CGT CGC ATC CAT ACA TCA C 3',

spezifisch für das Allel der serologischen Spezifität B57 beinhaltet. 45 18. Testkit zur Bestimmung von HLA-B-Allelen und Allelgruppen nach Anspruch 1 oder 2, dadurch gekennzeichnet, daß er je einen der in den Ansprüchen 3 bis 17 genannten 3'-Primer und je einen der in den Ansprüchen 3 bis 17 genannten 5'-Primer in beliebiger Kombination enthält.

19. Testkit nach Anspruch 18, dadurch gekennzeichnet, daß er mehrere der in den Ansprüchen 3 bis 17 genannten 3'- und 5'-Primer zur gleichzeitigen Amplifikation verschiedener Allele und Allelgruppen in 50 20. Testkit nach einem der Ansprüche 1 bis 19, dadurch gekennzeichnet, daß er als interne Kontrolle zur Amplifikation eines Fragments des Gens XB und, in den entsprechenden MHC-Haplotypen, zusätzlich des

5' AACTGC AGA GCG ACTTCC ATT C 3',

und einen 3'-Primer mit der Sequenz

5' AGG TCA TGC AGG GG TAG TCC A 3', 60

beinhaltet

55

21. Testkit nach einem der Ansprüche 1 bis 5, 7 bis 10, 15 bis 19, dadurch gekennzeichnet, daß er zur Amplifikation eines Fragments des Gens TNFB als interne Kontrolle einen 5'-Primer mit der Sequenz

65 5' CGT GCT TCG TGC TTT GGA CTA 3',

und einen 3'-Primer mit der Sequenz

5' AGC TGG TGG GGA CAT GTC TG 3',	
beinhaltet. 22. Testkit nach einem der Ansprüche 1 bis 21, dadurch gekennzeichnet, daß er als thermostabile DNA- Polymerase Taq-Polymerase enthält. 23. Testkit nach einem der Ansprüche 1 bis 22, dadurch gekennzeichnet, daß der Puffer 200—1000 mM	5
Betain enthält. 24. Testkit nach einem der Ansprüche 1 bis 23, dadurch gekennzeichnet, daß der Puffer 500—800 mM Betain und 1—6 mM Magnesiumchlorid enthält. 25. Verwendung von HLA-Allel-spezifischen Oligodesoxynukleotid-Primern, die am 3'-Ende in den drei letzten Nukleotiden mit der gesuchten Allelsequenz übereinstimmen und in der übrigen Sequenz zu mindestens 80% mit der Allelsequenz homolog sind, und einem Betain-enthaltenden Puffer zur Bestimmung	10
von Histokompatibilitäts-Antigenen in DNA-Proben durch spezifische PCR-Amplifikation. 26. Verwendung gemäß Anspruch 25 zur Amplifikation eines Fragmentes des HLA-B Gens enthaltend Sequenzen von Exon 2 bis Exon 3.	15
	20
•	25
	30
	35
	40
	45
	50
	55
•	60